

Аннотация к проекту: «Молекулярно-генетический анализ популяции арктического гольца из водоемов Северного Забайкалья»

Лососевидные рыбы (п/отр. Salmonoidei) – обширная группа холодноводных рыб северного полушария, они по праву считаются одной из наиболее эволюционно лабильных групп рыб, в которой идут интенсивные эволюционные процессы. В разных родах происходит активная адаптивная радиация, приводящая к возникновению молодых близкородственных видов и симпатрических и аллопатрических внутривидовых форм (морфотипов, экотипов, подвидов, рас), различающихся экологически, морфологически и генетически.

Актуальность настоящего исследования определяется и необходимостью изучения закономерностей внутривидовой дивергенции, что важно для понимания механизмов видообразования. В природе эти закономерности удобнее всего изучать на видах, имеющих сложную структуру - полиморфных полнокомплексных видах, представленных как географическими группировками, так и симпатрическими формами. Именно такие виды присутствуют среди планируемых объектов настоящего исследования.

Впервые с применением современных молекулярно-генетических методов будет проведено исследование лососевидных рыб БРЗ, основанное на разнообразных лабораторных анализах. Особое внимание будет уделено малоизученным частям БРЗ в северном Забайкалье и «пучкам» симпатрических форм. Проведенные исследования существенно дополнят представления о генетике рыб Сибири, истории формирования сибирской ихтиофауны, ее разнообразии, путях заселения БРЗ лососевидными рыбами и их современных ареалах в этой области.

Цель настоящей работы – Освоение методик молекулярно-генетического анализа популяций арктического гольца из водоемов Северного Забайкалья.

В задачи входит:

1. Проработка методов лабораторных и полевых исследований на новейшем оборудовании лаборатории молекулярно-генетических исследований при Биолого-почвенном факультете ИГУ.

2. Молекулярно-генетические исследования популяции арктического гольца из горных озёр бассейна реки Калар.